

USO DE SISTEMAS COMERCIAIS NA IDENTIFICAÇÃO DE BACILOS GRAM NEGATIVOS NÃO FERMENTADORES ISOLADOS DE PACIENTES PORTADORES DE FIBROSE CÍSTICA

Saraiva CR¹, da Silva Filho LVR², de Oliveira Garcia D¹

Seção de Bacteriologia do Instituto Adolfo Lutz¹. Instituto da Criança do Hospital das Clínicas da Faculdade de Medicina da Universidade de São Paulo². São Paulo, SP, E-mail: carigueiro@hotmail.com

A Fibrose Cística (FC) é uma doença genética, de caráter recessivo, que ocasiona espessamento das secreções, resultando em doença pulmonar obstrutiva crônica. Pacientes portadores de FC apresentam uma susceptibilidade peculiar a infecções bacterianas por agentes específicos. Bacilos Gram negativos não fermentadores (BGN-NF), tais como *Pseudomonas aeruginosa*, Complexo *B. cepacia* e *Stenotrophomonas maltophilia* são os microrganismos mais prevalentes. Outros BGN-NF, incluindo alguns mais raros e de difícil identificação, são ocasionalmente encontrados em amostras respiratórias de pacientes com FC. BGN-NF diferem em termos de potencial patogênico e transmissibilidade, portanto a correta identificação da espécie é crítica para o tratamento. Este estudo avaliou o método fenotípico pelo sistema semiautomatizado comercial API 20NE comparado aos métodos fenotípico clássico e genotípico (PCR) na identificação de BGN-NF oriundos de pacientes portadores de FC atendidos no Ambulatório de Pneumologia do Instituto da Criança do Hospital das Clínicas (HC-FMUSP). Das amostras analisadas, 67 inconclusivas pelo método manual foram submetidas a análise bioquímica pelo Sistema API 20NE. Foram obtidos os seguintes resultados: 13,4% *Achromobacter spp*, 4,7% *S. maltophilia*, 2% *Alcaligenes faecalis*, 0,6% *Moraxella sp*, 0,6% *Wautersia paucula*, 2,7% *Acinetobacter sp*, 0,6% *Rhizobium radiobacter*, 4,7% *Ralstonia picketti*, 1,3% *P. stutzeri*, 1,3% *P. aeruginosa*, 4,7% *Ochrobactrum anthropi*, 1,3% *Delftia acidovorans*, 2% *Comamonas testosteroni*, 3,3% *Burkholderia cepacia*, 0,6% *Brevundimonas vesicularis*, 0,6% *Bordetella bronchiseptica*. Os resultados foram comparados com as características morfológicas e provas bioquímicas complementares. Suspeitas de *Achromobacter* e *S. maltophilia* foram submetidas a PCR, sendo que 90% de *Achromobacter spp* e 28% de *S. maltophilia* foram confirmadas por PCR. Para os microrganismos restantes a análise permaneceu inconclusiva. Sistema API 20NE mostra perfis incompatíveis com as características morfológicas e bioquímicas e resultados inconclusivos para BGN-NF raros. A associação de métodos garante uma eficiência maior na interpretação dos resultados.